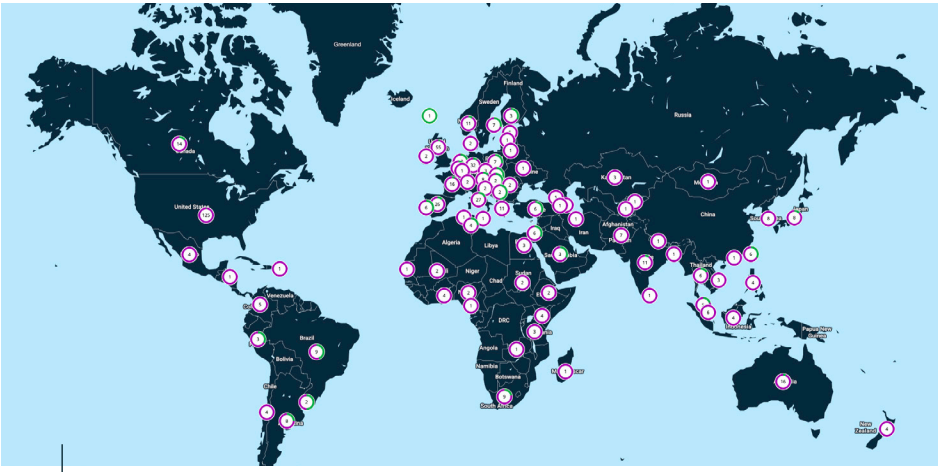
Datos integrados de genotipado, secuenciación y datos clínicos procedentes de cohortes mundiales

Los datos del Global Parkinson's Genetics Program (GP2) están a disposición de investigadores y médicos cualificados del ámbito académico y del sector en todo el mundo. Estos datos impulsarán el descubrimiento de nuevos genes vinculados a la enfermedad de Parkinson monogénica y nuevos *loci* de riesgo asociados a la susceptibilidad a la enfermedad. También pueden servir para ampliar nuestros conocimientos en cuanto a la predicción de la enfermedad, los modificadores de la enfermedad, las variaciones clínicas y los factores ambientales.



El panel de cohortes del GP2 muestra el progreso de la iniciativa mundial de recopilar y genotipar >250,000 muestras diversas.

Analizar la arquitectura genética de la enfermedad de Parkinson es fundamental para identificar dianas terapéuticas

El Global Parkinson's Genetics Program (GP2) es un ambicioso programa de la iniciativa Aligning Science Across Parkinson's (ASAP) que tiene por objeto comprender con mayor profundidad la arquitectura genética de la EP mediante el genotipado de individuos diversos y pertenecientes a minorías poblaciones, la ampliación de la investigación sobre las formas atípicas y prodrómicas de la enfermedad, y el intercambio seguro y abierto de datos y recursos entre investigadores de todo el mundo.

Preguntas frecuentes:

P. **¿Quién forma parte del GP2?**

R. Los miembros del GP2 son investigadores de todo el mundo que aportan cohortes tanto nuevas como existentes. Estamos comprometidos con la colaboración a escala mundial, y nuestros miembros han aportado más de 418 cohortes procedentes de más de 87 lugares de los cinco continentes.

P. **¿Cómo puedo acceder a los datos del GP2?**

R. Los datos están disponibles en la plataforma Accelerating Medicines Partnership in Parkinson's Disease (AMP® PD). Obtenga más información sobre cómo acceder a los datos en *www.gp2.org/dataaccess*.

P. **¿Qué datos se comparten?**

R.
- Resúmenes estadísticos
- Datos de genotipado sin procesar e imputados
- Datos clínicos armonizados
- Secuenciación del genoma completo y datos clínicos exónicos

---

P. **¿Cuándo se comparten los datos?**

R. El GP2 publicará nuevos datos a medida que se completen nuevos genotipados y secuenciaciones; acceda a los datos disponibles hoy y regrese pronto para descubrir datos actualizados. Puede ver nuestro progreso hasta la fecha en *www.gp2.org/cohort-dashboard/*.

Siga este código QR para explorar el panel de cohortes, aprender a acceder a los datos del GP2 y consultar información en otros idiomas.

Aún queda mucho por aprender sobre los factores de riesgo genéticos, y el camino hacia una mayor comprensión requiere un enfoque colaborativo y el intercambio abierto de datos, procesos y resultados.

Si desea obtener más información sobre cómo hacerse miembro del GP2, escríbanos a **cohort@gp2.org**.