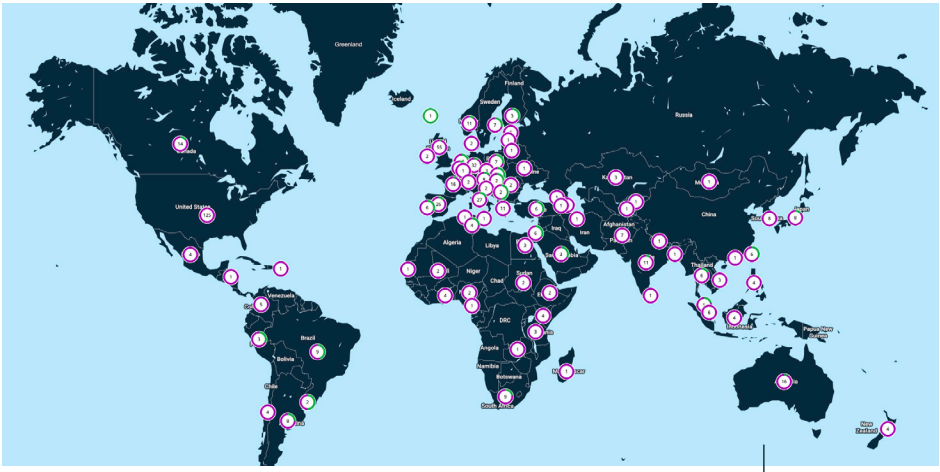
بيانات متكاملة للتصنيف الوراثي والتسلسل والبيانات السريرية من مجموعات المشاركين من حول العالم

يضع البرنامج العالمي حول الجينات المرتبطة بداء باركنسون (GP2) بياناته تحت تصرف الباحثين والأطباء المؤهلين في الأوساط الأكاديمية والقطاع العلمي الأوسع حول العالم. ويمكن لهذه البيانات أن تساهم في تسريع اكتشاف جينات جديدة مرتبطة بداء باركنسون أحادي الجينة ومواضع الخطر الجديدة المرتبطة باحتمالية الإصابة بالمرض. كما يمكن لهذه البيانات أن تقود إلى رؤى جديدة بخصوص التنبؤ بداء باركنسون ومعدِّلاته والمتغيرات السريرية إلى جانب العوامل البيئية التي تُساهم في ظهور الداء.



وتُظهر لوحة إعدادات المشاركين في برنامج *GP2* التقدم الذي أحرزه الجهد العالمي لجمع أكثر من ٢٥٠ ألف عينة متنوعة وتصنيفها بحسب النموذج الوراثي.

يُعدّ تفكيك البنية الجينية لداء باركنسون خطوة أساسية للوصول إلى الأهداف العلاجية.

ومن هذا المنطلق، فإن البرنامج العالمي حول الجينات المرتبطة بداء باركنسون، وهو أحد برامج مبادرة تسخير العلم من أجل داء باركنسون (أساب)، هو برنامج طموح يهدف إلى تحسين فهمنا للبنية الجينية للداء من خلال التصنيف الوراثي للعينات من المجتمعات المتنوعة وتلك التي لم تحظَ بالتمثيل الكافي تاريخيًا، ما يُوسّع نطاق الأبحاث لتشمل الأشكال غير النمطية والبادرية للمرض ويتيح مشاركة البيانات والموارد بأمان وانفتاح مع الباحثين من حول العالم.

أسئلة شائعة

من هم المشاركون في برنامج GP2؟

سؤال:

أ. يضم برنامج GP٢ في عضويته مجموعات بحثية جديدة ومجموعات قائمة قدمها الباحثون من حول العالم. نحن ملتزمون بالتشاركية على مستوى العالم، إذ يساهم الأعضاء بأكثر من ٤١٨ مجموعة بحثية في أكثر من ٨٧ موقعاً من مختلف أنحاء القارات الست.

أين يمكنني الاطلاع على بيانات GP2؟

سؤال:

أ. يمكن الإطلاع على البيانات من خلال منصة برنامج شراكة تسريع تطوير أدوية داء باركنسون (AMP-PD). تعرفوا على كيفية الوصول إلى البيانات من خلال الرابط التالي: www.gp2.org/dataaccess.

ما هي البيانات التي تمت مشاركتها؟

سؤال:

أ. ملخص الإحصائيات:

- بيانات النمط الجيني الخام والمستكملة إحصائيًا
- البيانات السريرية التي تمت مواءمتها
- تسلسل الجينوم الكامل وبيانات الاكسوم السريرية

متى تتم مشاركة البيانات؟

سؤال:

أ. سوف ينشر برنامج GP2 دفعات البيانات بعد الانتهاء من تصنيفها بحسب النماذج الوراثية والتسلسل. يمكنكم الاطلاع على البيانات المتاحة اليوم، وننصحكم بزيارة الموقع باستمرار لمتابعة المستجدات. يمكنكم الاطلاع على التقدم المحرز حتى اللحظة عبر الرابط التالي: www.gp2.org/cohort-dashboard/.

اتبعوا رمز الـQR لاستكشاف لوحة إعدادات المشاركين في برنامج GP٢، ومعرفة كيفية الإطلاع على البيانات والوصول إلى هذه المعلومات بلغات أخرى.

ما زال أمامنا الكثير لنتعلَّمه حول عوامل الخطر الجينية، ونحتاج إلى التعاون المنفتح ومشاركة البيانات والإجراءات والنتائج حتى نتمكَّن من تطوير فهمنا لهذه العوامل.

لمعرفة المزيد حول عضوية البرنامج العالمي حول الجينات المرتبطة بداء باركنسون GP٢، يُرجى الاتصال بنا: **cohort@gp2.org**.