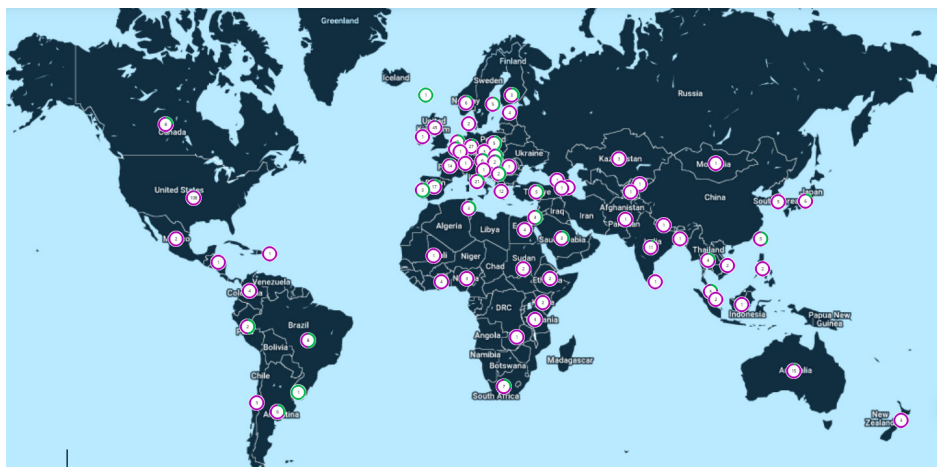


Datos genotipados y datos clínicos de cohortes mundiales

Los datos del GP2 están ahora disponibles para investigadores calificados del mundo académico y la industria. Esta información se utilizará para acelerar el descubrimiento de nuevos genes vinculados a la enfermedad de Parkinson monogénica y nuevos *loci* de riesgo asociados a la susceptibilidad de la enfermedad. También puede servir para ampliar nuestros conocimientos en cuanto a la predicción de la enfermedad, los modificadores de la enfermedad y las variaciones clínicas. **El estudio de la arquitectura genética de la enfermedad de Parkinson es esencial para identificar dianas terapéuticas.**



El panel de cohortes del GP2 muestra el progreso de la iniciativa mundial de recopilar y genotipar >250,000 muestras diversas.

El Global Parkinson's Genetics Program (GP2) de Aligning Science Across Parkinson's (ASAP) es un ambicioso programa que tiene por objeto comprender la arquitectura genética de la enfermedad de Parkinson mediante el genotipado de grupos de pacientes diversos y el estudio de formas familiares de la EP poco frecuentes.

Preguntas frecuentes:

P. ¿Quién forma parte del GP2?

- R.** Los miembros del GP2 son investigadores de todo el mundo que aportan cohortes tanto nuevas como existentes. Estamos comprometidos con la colaboración a escala mundial, y nuestros miembros han aportado más de 300 cohortes procedentes de más de 70 lugares de los cinco continentes.
-

P. ¿Cómo puedo acceder a los datos del GP2?

- R.** Los datos están disponibles en la plataforma Accelerating Medicines Partnership in Parkinson's Disease (AMP® PD). Obtenga más información sobre cómo acceder a los datos en www.gp2.org/dataaccess.
-

P. ¿Qué datos se comparten?

- R.** Resúmenes estadísticos
- Datos de genotipado imputados y brutos
 - Datos clínicos armonizados
 - Secuenciación del genoma completo y datos clínicos exómicos
-

P. ¿Cuándo se comparten los datos?

- R.** El GP2 publica nuevos datos a medida que se completan nuevos genotipados y secuenciaciones. Acceda a los datos disponibles hoy y regrese pronto para descubrir datos actualizados. Puede ver nuestro progreso hasta la fecha en www.gp2.org/cohort-dashboard/.



Siga este código QR para explorar el panel de cohortes, aprender a acceder a los datos del GP2 y consultar información en otros idiomas.

Aún queda mucho por aprender sobre los factores de riesgo genéticos, y el camino hacia una mayor comprensión requiere un enfoque colaborativo y el intercambio abierto de datos, procesos y resultados.

Si desea obtener más información sobre cómo hacerse miembro del GP2, escríbanos a cohort@gp2.org.