

Génotypage et données cliniques de cohortes mondiales

Les données du GP2 sont désormais à la dispositions des chercheurs qualifiés issus du monde universitaire et du secteur privé. Ces informations seront utilisées pour accélérer les découverte de nouveaux gènes liés à la maladie de Parkinson monogénique et de nouveaux loci à risque associés à la prédisposition à la maladie. Ces données peuvent également apporter un éclairage sur la probabilité et les facteurs de modification de la maladie, ainsi que sur les variations cliniques. L'identification des cibles thérapeutiques passe par le décryptage de l'architecture génétique de la maladie de Parkinson.



Le tableau de bord des cohortes du GP2 indique l'état d'avancement des efforts déployés dans le monde entier pour collecter et faire le génotypage de plus de 250 000 échantillons variés.

Le Programme mondial sur la génétique de la maladie de Parkinson (GP2) de l'Aligning Science Across Parkinson's (ASAP) est un ambitieux programme qui vise à mieux comprendre l'architecture génétique de la maladie de Parkinson (MP) par le génotypage de groupes de patients diversifiés et l'étude de formes familiales rares de la maladie de Parkinson.

Foire aux questions

Q. Qui participe au GP2 ?

- R. L'appartenance au GP2 englobe aussi bien les nouvelles cohortes que les cohortes existantes, apportées par les chercheurs du monde entier. Nous nous engageons pour mobiliser l'effort de collaboration à l'échelle mondiale, avec des membres apportant plus de 180 cohortes, de plus de 60 sites et sur six continents.
-

Q. Où peut-on avoir accès aux données du GP2 ?

- R. Vous pouvez accéder aux données sur la plateforme du programme Accelerating Medicines Partnership in Parkinson's Disease (AMP® PD). www.gp2.org/dataaccess.
-

Q. Quel est le type de données partagées ?

- R. - statistiques synthétiques
- données de génotypage brutes et imputées
- données cliniques harmonisées
-

Q. Où les données sont-elles partagées ?

- R. Le GP2 publiera les dernières éditions des données, une fois le génotypage achevé. Accédez aux données disponibles actuellement et vérifiez régulièrement les mises à jour. Accompagnez nos progrès sur www.gp2.org/cohort-dashboard/.



Suivez le code QR pour exploiter le tableau de bord du GP2, voyez comment accéder aux données et aux informations dans d'autres langues.

Il reste encore beaucoup à apprendre sur les facteurs de risque génétiques ; la voie vers une meilleure compréhension passe par la collaboration et le partage ouvert des données, des processus et des résultats.

Pour en savoir plus sur comment devenir membre du GP2, contactez-nous à cohort@gp2.org.