

Genotipado y datos clínicos de cohortes mundiales

Los datos del GP2 ya están disponibles para investigadores calificados del mundo académico y de la industria. Esta información se utilizará para acelerar el descubrimiento de nuevos genes vinculados a la enfermedad de Parkinson monogénica y de nuevos locus de riesgo que aumentan la susceptibilidad a la enfermedad. También servirá para estudiar la predicción de la enfermedad, sus modificadores y variaciones clínicas. **Disecionar la arquitectura genética de la enfermedad de Parkinson es un paso indispensable para el descubrimiento de dianas terapéuticas.**



El panel de cohortes del GP2 muestra el progreso de las iniciativas mundiales de recolección y genotipado de más de 150,000 muestras diversas.

El Global Parkinson's Genetics Program (GP2) de Aligning Science Across Parkinson's (ASAP) es un ambicioso programa que tiene por objeto comprender mejor la arquitectura genética de la enfermedad de Parkinson a través del genotipado de grupos de pacientes diversos y del estudio de formas hereditarias de la EP de baja incidencia.

Preguntas frecuentes:

P. ¿Quién participa en el GP2?

- R. Apostamos firmemente por la colaboración mundial, y actualmente contamos con más de 160 cohortes en más de 50 regiones en todos los continentes.
-

P. ¿Cómo puedo acceder a los datos del GP2?

- R. Se puede acceder a los datos a través de la plataforma de Accelerating Medicines Partnership in Parkinson's Disease (AMP® PD). Encontrará más información sobre cómo acceder a los datos en <https://gp2.org/es/como-solicitar-acceso-a-los-datos-del-gp2-alojados-en-la-plataforma-amd-pd/>.
-

P. ¿Qué datos se comparten?

- R.
- Estadísticas resumidas
 - Datos de genotipado imputados y sin procesar
 - Datos clínicos armonizados
-

P. ¿Cuándo se publican los datos?

- R. El GP2 publica los datos a medida que se va completando el genotipado. Acceda a los datos disponibles hoy mismo y visite el sitio web periódicamente para consultar nuevos datos. Puede ver nuestro progreso hasta la fecha en www.gp2.org/cohort-dashboard/.



Siga el código QR para consultar el panel de cohortes del GP2 y para obtener información sobre cómo acceder a los datos del GP2 y cómo cambiar el idioma.

Aún nos queda mucho por aprender acerca de los factores de riesgo genéticos, y el camino para ampliar nuestros conocimientos exige trabajar en colaboración y compartir datos, procesos y resultados abiertamente.

Para obtener más información sobre cómo hacerse miembro del GP2, póngase en contacto con cohort@gp2.org.