

# Genotipado y datos clínicos de cohortes mundiales

Los datos del GP2 ya están disponibles para investigadores calificados del mundo académico y de la industria. Esta información se utilizará para acelerar el descubrimiento de nuevos genes vinculados a la enfermedad de Parkinson monogénica y de nuevos locus de riesgo que aumentan la susceptibilidad a la enfermedad. También servirá para estudiar la predicción de la enfermedad, sus modificadores y variaciones clínicas. **Disecionar la arquitectura genética de la enfermedad de Parkinson es un paso indispensable para el descubrimiento de dianas terapéuticas.**



*El panel de cohortes del GP2 muestra el progreso de las iniciativas mundiales de recolección y genotipado de más de 150,000 muestras diversas.*

El Global Parkinson's Genetics Program (GP2) de Aligning Science Across Parkinson's (ASAP) es un ambicioso programa que tiene por objeto comprender mejor la arquitectura genética de la enfermedad de Parkinson a través del genotipado de grupos de pacientes diversos y del estudio de formas hereditarias de la EP de baja incidencia.

## Preguntas frecuentes:

### **P. ¿Quién participa en el GP2?**

- R.** Apostamos firmemente por la colaboración mundial, y actualmente contamos con más de 160 cohortes en más de 50 regiones en todos los continentes.
- 

### **P. ¿Cómo puedo acceder a los datos del GP2?**

- R.** Se puede acceder a los datos a través de la plataforma de Accelerating Medicines Partnership in Parkinson's Disease (AMP® PD). Encontrará más información sobre cómo acceder a los datos en <https://gp2.org/es/como-solicitar-acceso-a-los-datos-del-gp2-alojados-en-la-plataforma-amd-pd/>.
- 

### **P. ¿Qué datos se comparten?**

- R.**
- Estadísticas resumidas
  - Datos de genotipado imputados y sin procesar
  - Datos clínicos armonizados
- 

### **P. ¿Cuándo se publican los datos?**

- R.** El GP2 publica los datos a medida que se va completando el genotipado. Acceda a los datos disponibles hoy mismo y visite el sitio web periódicamente para consultar nuevos datos. Puede ver nuestro progreso hasta la fecha en [www.gp2.org/cohort-dashboard/](http://www.gp2.org/cohort-dashboard/).



**Siga el código QR para consultar el panel de cohortes del GP2 y para obtener información sobre cómo acceder a los datos del GP2 y cómo cambiar el idioma.**

Aún nos queda mucho por aprender acerca de los factores de riesgo genéticos, y el camino para ampliar nuestros conocimientos exige trabajar en colaboración y compartir datos, procesos y resultados abiertamente.

Para obtener más información sobre cómo hacerse miembro del GP2, póngase en contacto con [cohort@gp2.org](mailto:cohort@gp2.org).