Global Parkinson's Genetics Program

Données génotypiques et cliniques de cohortes mondiales

Les données du GP2 sont désormais disponibles aux chercheurs qualifiés du monde universitaire et du secteur privé. Ces données permettront d'accélérer la découverte de nouveaux gènes liés à la maladie de Parkinson monogénique et de nouveaux loci à risque associés à la prédisposition à la maladie. Ces données peuvent également apporter un éclairage sur la probabilité et les facteurs de modification de la maladie, ainsi que sur les variations cliniques. **L'identification des cibles thérapeutiques passera par le décryptage de l'architecture génétique de la maladie de Parkinson.**

Le tableau de bord de la cohorte du GP2 affiche la progression de l'effort mondial de collecte et de génotypage de plus de 150 000 échantillons variés.

Le Programme mondial de génétique de la maladie de Parkinson (GP2) de l'ASAP (Aligning Science Across Parkinson's) est un programme ambitieux visant à mieux comprendre l'architecture génétique de la maladie de Parkinson par le génotypage de divers groupes de patients et l'étude de formes familiales rares de la maladie de Parkinson.

Questions fréquemment posées :

Q. Qui participe au GP2 ?

R. Le GP2 est constitué à la fois de cohortes existantes et de nouvelles cohortes de recherche fournies par des chercheurs du monde entier. Nous voulons encourager la collaboration à l'échelle mondiale grâce aux contributions de nos membres, soit plus de 160 cohortes provenant de plus 50 sites sur six continents.

Q. ¿Cómo puedo acceder a los datos del GP2?

R. Les données sont accessibles via la plateforme du programme AMP ®PD (Accelerating Medicines Partnership in Parkinson's Disease). Pour en savoir plus sur la manière d'accéder aux données, consultez le site **www.gp2.org/dataaccess**.

Q. Quelles sont les données partagées ?

R.
- Résumé des statistiques
- Données de génotypage brutes et imputées
- Données cliniques harmonisées

Q. Quand les données sont-elles partagées ?

R. Le GP2 diffusera les données au fur et à mesure de l'achèvement du génotypage. Accédez dès aujourd'hui aux données disponibles et consultez régulièrement les mises à jour. Vous pouvez voir les progrès réalisés à ce jour sur **www.gp2.org/cohort-dashboard/**.

Suivez le code QR pour découvrir le tableau de bord de la cohorte du GP2, voir comment consulter les données et accéder aux informations dans d'autres langues.

Il reste beaucoup à apprendre sur les facteurs de risque génétiques. La voie vers une meilleure compréhension passe par la collaboration et le partage ouvert des données, des processus et des résultats.

Pour en savoir plus sur comment devenir membre du GP2, contactez **cohort@gp2.org.**